

Types d'études

- Profil d'expression
- Détection de transcrits de fusion
- Détection de variants d'épissage
- Longs ARN non codants (lncRNA)
- Détection des SNP d'expression
- Étude des biais transcriptionnels

Préparation de banques

- Banque mRNA (polyA)
- Banque total RNA (déplétion ribosomale)
- Faibles quantités d'ARN total
 - RNA-Seq ciblé (utilisant le kit **Twist Bioscience**)
- Préparation de banques orientées

Options de séquençage

- Séquençage paired-end privilégié pour
 - Maximiser la reconstruction des transcrits et l'identification des variants d'épissage
- Nombre de séquences garanties dépendant de l'objectif du projet
- Capacité de traitement-
NovaSeq6000(tm)